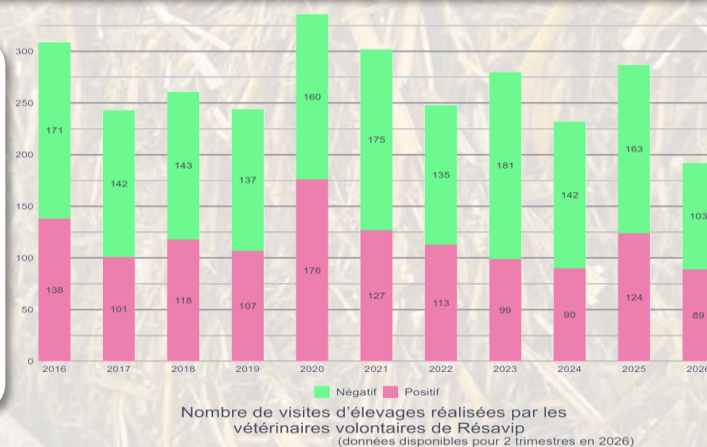


Résavip est le réseau national de surveillance des virus influenza A détectés chez le porc ([swIAV](#)) en France métropolitaine. Son objectif est d'approcher la diversité et la dynamique des [swIAV](#) sur le territoire. Chaque trimestre et chaque année, Résavip publie un bulletin d'information national. Ces bulletins sont publics et mis en ligne sur le site de la Plateforme ESA.

Résavip est un réseau de surveillance nationale. Il offre à l'éleveur et au vétérinaire un résultat de détection moléculaire (positif ou négatif) rapide. Les analyses de caractérisation virale sont réalisées par le Laboratoire National de Référence Influenza porcin (Anses) et le résultat est généralement disponible sous un mois.



Bilan du 2^{ème} trimestre 2026 :

Le nombre de visites de ce 2^{ème} trimestre 2026 s'élève à 69. Il a diminué par rapport aux deux trimestres précédents au cours desquels il avait été élevé (>100). Les visites ont été réalisées dans 7 régions différentes, dont la région Grand Est qui a remobilisé ses acteurs. Parmi les 69 visites réalisées, 12 concernaient des élevages mixtes, la principale autre espèce présente aux côtés des porcins étant les bovins. Le taux de positivité est inférieur au précédent trimestre avec 44,9% des cas positifs (contre 47,1% le trimestre précédent).

La caractérisation des virus a évolué depuis janvier 2026 avec des rapports d'analyse présentant des résultats de génotypage, c'est-à-dire d'identification par séquençage des 8 segments génomiques du virus influenza A porcin détecté dans chacun des écouvillons nasaux trouvés positifs par RT-qPCR gène M. Dans ce bulletin, la nomenclature du sous-type viral est renseignée comme au niveau international, avec référence à l'ancien nom de lignage inscrit entre parenthèse.

Le sous-type H1C/N2G (lignage H1avN2, n =15) prédomine au cours des deux premiers trimestres de 2026. Il était encore présent en Bretagne et en Normandie au trimestre 2. Le second sous-type viral détecté ce 2^{ème} trimestre 2026 est le H1C/N1EA (lignage H1avN1, n = 5), localisé en Occitanie et Pays-de-la-Loire. Le virus H1A/N1P (lignage H1pdmN1pdm, n= 3) a été détecté uniquement dans des élevages bretons. La caractérisation virale du cas positif en région Grand Est n'a pas été possible en raison de la présence du virus en trop faible quantité dans les prélèvements.

69 visites d'élevage au 2^{ème} trimestre 2026



Motif de la visite

72,5% Syndrome grippal
18,8% Routine
8,7% Non renseigné



Répartition mensuelle des visites

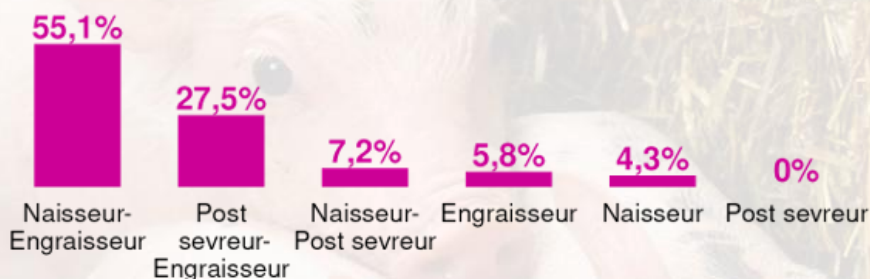
37,7% en avril
30,4% en mai
31,9% en juin



Formes épidémiologiques de la grippe

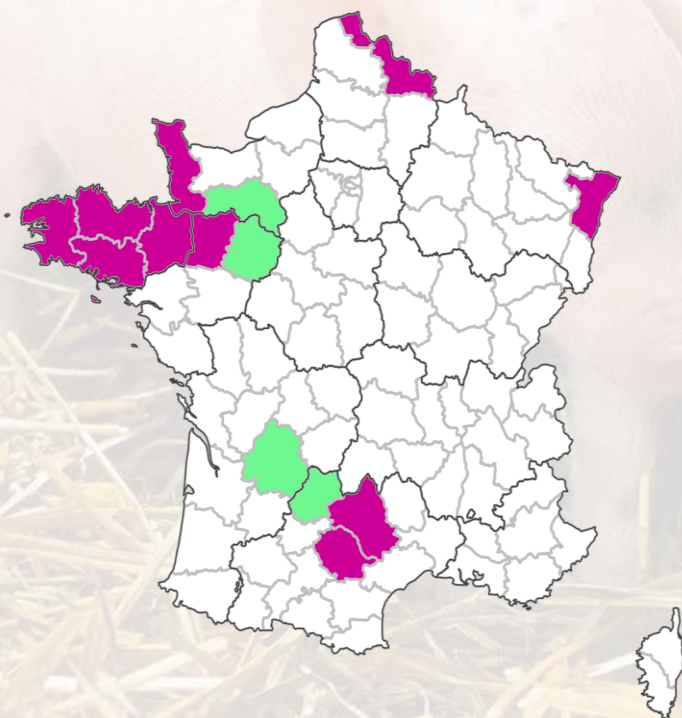
50,7% Classique¹
43,5% Récurrente²
5,8% Non renseignée

Type d'élevage



Intensité des signes cliniques

65,2% Normale
21,7% Elevée
13% Non renseignée



Des visites dans 14 départements de 7 régions

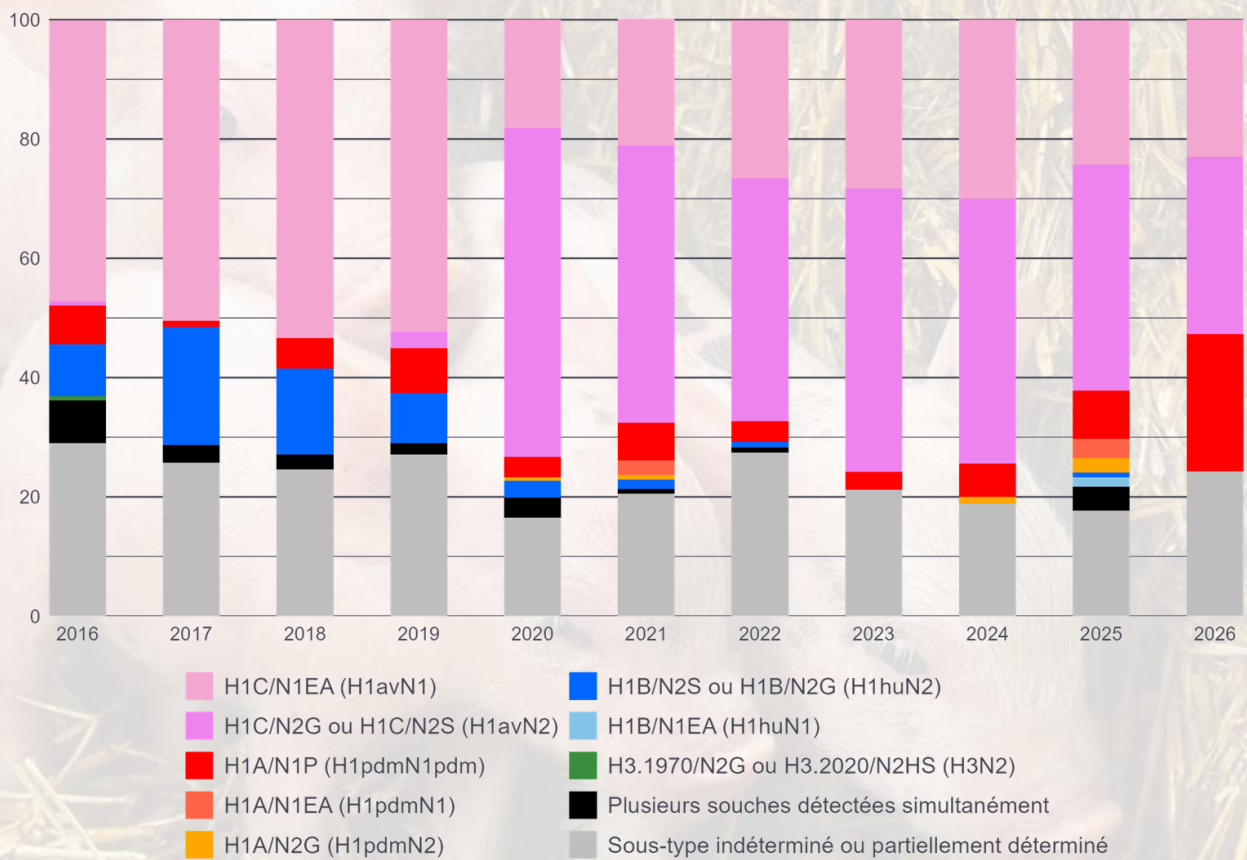
Sans visite
Toutes les visites sont négatives
Au moins une visite est positive

1. Forme épisodique à l'échelle de l'élevage, pouvant se propager sur différentes classes d'âge au moment de l'épisode, sans caractère de récurrence à âge fixe.

2. Forme persistante à l'échelle de l'élevage, se répétant sur chaque bande ou presque dans une gamme d'âge déterminée.



	Nombre de visites d'élevages	Nombre d'élevages	Nombre de visites d'élevages positives	H1A/N1P (H1pdmN1pdm)	H1C/N1EA (H1avN1)	H1C/N2G (H1avN2)	Sous-type indéterminé ou partiellement déterminé
Bretagne	49	43	22	3	0	14	5
Grand Est	1	1	1	0	0	0	1
Hauts-de-France	5	4	1	0	0	0	1
Normandie	3	3	1	0	0	1	0
Occitanie	4	4	3	0	3	0	0
Pays de la Loire	6	6	3	0	2	0	1
Nouvelle-Aquitaine	1	1	0	0	0	0	0
Total national	69	62	31	3	5	15	8



Pour devenir vétérinaire volontaire de Résavip inscrivez-vous auprès de l'animateur régional qui vous fournira les kits de prélèvements et le document d'accompagnement des prélèvements. Pour plus d'informations veuillez contacter la coordinatrice nationale : BOUTAYEUR Hajar « hboutayeur@lacoopagri.coop »